09/930338 11.11.99

日本国特許庁

PATENT OFFICE
JAPANESE GOVERNMENT

ZR99/1841

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日 Date of Application:

1998年10月26日

REC'D 0 6 JAN 2000

WIPO

POT

出 願 番 号 Application Number:

平成10年特許願第304550号

科学技術振興事業団

酒井 治美

PRIORITY DOCUMENT

SUBMITTED OR TRANSMITTED IN COMPLIANCE WITH RULE 17.1(a) OR (b)

1999年12月17日

特許庁長官 Commissioner, Patent Office

近藤隆



特平10-3045

【書類名】 特許願

【整理番号】 NP98449-Y

【提出日】 平成10年10月26日

【あて先】 特許庁長官 殿

【国際特許分類】 A61K 39/395

G01N 33/53

【発明の名称】 ヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPに対する

モノクローナル抗体と、NAIPの検

定方法

【請求項の数】 18

【発明者】

【住所又は居所】 東京都目黒区上目黒5-31-1

【氏名】 池田 穣衛

【発明者】

【住所又は居所】 神奈川県厚木市元町1-20

ヤトレ・ストンリバー I I 207

【氏名】 酒井 治美

【特許出願人】

【識別番号】 396020800

【氏名又は名称】 科学技術振興事業団

【特許出願人】

【識別番号】 597144912

【氏名又は名称】 酒井 治美

【代理人】

【識別番号】 100093230

【弁理士】

【氏名又は名称】 西澤 利夫

【電話番号】 03-5454-7191

シ

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 009911

【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 明細書 1

【物件名】 図面 1

【物件名】 要約書 1

【プルーフの要否】 要

【書類名】 明細書

【発明の名称】 ヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPに対するモノクロー ナル抗体と、NAIPの検定方法

【特許請求の範囲】

【請求項1】 配列番号1のアミノ酸配列を有するヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPを特異的に認識するモノクローナル抗体であって、配列番号1のアミノ酸番号256-586のアミノ酸配列またはその一部配列からなるポリペプチドを含む免疫原によって免疫した哺乳動物の抗体産生細胞とミエローマ細胞株との融合細胞であるハイブリドーマ細胞群がそれぞれ産生する抗NAIPモノクローナル抗体。

【請求項2】 エピトープ領域が、配列番号1のアミノ酸番号354-368 の領域である請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体。

【請求項3】 エピトープ領域が、配列番号1のアミノ酸番号373-387の領域である請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体。

【請求項4】 マーカー標識した請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体とNAIPを含む試料とを接触させて標識抗体とNAIPを結合させ、この結合体におけるマーカーのシグナル強度を測定することを特徴とするNAIPの検定方法。

【請求項5】 抗NAIPモノクローナル抗体が、請求項2または3のモノクローナル抗体である請求項4のNAIP検定方法。

【請求項6】 マーカーが酵素、放射性同位体または蛍光色素である請求項4 または5のNAIP検定方法。

【請求項7】 抗NAIP一次抗体とNAIPを含む試料とを接触させて一次 抗体とNAIPを結合させ、この結合体に抗NAIP二次抗体を結合させ、この 二次抗体に結合したマーカーのシグナル強度を測定する方法であって、

- (1) 一次抗体と二次抗体を請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体とする、
- (2) 一次抗体を請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体とし、二次抗体を抗NAIPポリクローナル抗体とする、または
- (3) 一次抗体を抗NAIPポリクローナル抗体とし、二次抗体を請求項1の抗

NAIPモノクローナル抗体とする、

ことを特徴とするNAIPの検定方法。

【請求項8】 一次抗体が固相化されている請求項7のNAIP検定方法。

【請求項9】 抗NAIPモノクローナル抗体が、請求項2および/または3のモノクローナル抗体である請求項7または8のNAIP検定方法。

【請求項10】 マーカーが酵素、放射性同位体または蛍光色素である請求項7、8または9のNAIP検定方法。

【請求項11】 少なくとも以下の要素、

- (a) 抗NAIP一次抗体が固相化されたプレート、および
- (b) マーカー標識された抗NAIP二次抗体、

からなるキットであって、

- (1) 一次抗体と二次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体である、
- (2) 一次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体であり、二次抗体が 抗NAIPポリクローナル抗体である、または
- (3) 一次抗体が抗NAIPポリクローナル抗体であり、二次抗体が請求項1の 抗NAIPモノクローナル抗体である、

ことを特徴とするNAIP検定キット。

【請求項12】 抗NAIPモノクローナル抗体が、請求項2および/および3のモノクローナル抗体である請求項11のNAIP検定キット。

【請求項13】 マーカーが放射性同位体または蛍光色素である請求項11または12の検定キット。

【請求項14】 マーカーが酵素であり、さらに以下の要素、

(c) 酵素活性によって発色する基質

を有する請求項11または12の検定キット。

【請求項15】 少なくとも以下の要素、

- (a) 抗NAIP一次抗体が固相化されたプレート、
- (b) 抗NAIP二次抗体、および
- (c) 二次抗体に結合するマーカー、

からなるキットであって、

- (1) 一次抗体と二次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体である、
- (2) 一次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体であり、二次抗体が 抗NAIPポリクローナル抗体である、または
- (3) 一次抗体が抗NAIPポリクローナル抗体であり、二次抗体が請求項1の 抗NAIPモノクローナル抗体である、

ことを特徴とするNAIP検定キット。

【請求項16】 抗NAIPモノクローナル抗体が、請求項2および/または3のモノクローナル抗体である請求項15のNAIP検定キット。

【請求項17】 マーカーが放射性同位体または蛍光色素である請求項15または16の検定キット。

【請求項18】 マーカーが酵素であり、さらに以下の要素、

(d) 酵素活性によって発色する基質

を有する請求項15または16の検定キット。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】

この出願は、ヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPを特異的に認識するモノクローナル抗体と、このNAIPの免疫検定法に関するものである。

[0002]

【従来の技術とその課題】

アポトーシスは、プログラムされた細胞死の一種であり、周囲の細胞との接触の欠乏、細胞質の濃縮化、エンドヌクレアーゼの活性に関連したクロマチンの凝縮および核凝縮、核の断片化、膜被包性球状小体化、隣接するマクロファージもしくは上皮細胞などによる球状小体の貪食、またはエンドヌクレアーゼ活性によりDNAのヌクレオソーム単位が 180~200 塩基長のDNAに断片化するといった現象が観察され、このような現象が認められるアポプティック体細胞の最終断片が隣接する細胞により貪食される機構として論じられている(例えば、Immuno logy Today 7:115-119, 1986; Science 245:301-305, 1989)。

[0003]

このアポトーシスを制御する遺伝子としてしては、例えば、1985年に胞性 B細胞腫から発見されたガン遺伝子のひとつであるbcl-2 遺伝子が知られている。このbcl-2 遺伝子は、免疫系や神経性の細胞で高頻度に発現しており、この遺伝子の発現産物はこれら細胞のアポトーシスを抑制することによって、ヒトの免疫機能や神経系機能の恒常性を維持していると考えられている。また、このbcl-2 遺伝子は、胎児では特に広範囲には発現していることから、個体発生の際の形態形成にも重要な役割を果たしていると考えられてもいる。

[0004]

一方、この出願の発明者等は、家族性の遺伝病である脊髄性筋萎縮症候群(Spinal Mascular Atropy: SMA)の原因遺伝子として、ヒト染色体5g13.1 領域より神経細胞アポトーシス抑制蛋白質(Neuronal Apoptosis Inhibitory Protein: NAIP)遺伝子を単離している(Roy et al., Cell 80: 167-178, 1995)。すなわち、このNAIP遺伝子の変異またはコピー数の減少が脊髄ニューロンのアポトーシスを生じさせ、これがSMA発症の原因となると想定されている。また、このNAIP遺伝子を種々の培養細胞に導入し、アポトーシスを誘起させる刺激を細胞に与えたところ、その細胞死が抑制されることが明らかにされ(Liston et al., Nature 379:349-353, 1996)、NAIPが神経細胞だけではなく、体細胞全体のアポトーシス抑制因子であることが明らかにされている。

[0005]

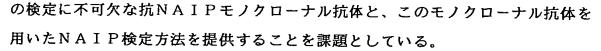
そしてこの出願の発明者等は、NAIPの全アミノ酸配列とNAIPをコードするcDNAを単離し、既に特許出願している(特願平9-280831号)。 【0006】

【発明が解決しようとする課題】

前記のとおり、NAIPはSMAをはじめとする各種アポトーシス性疾患に関与する蛋白質であり、それらの疾患の発症メカニズムの解明、発症の危険性の診断、発症の予防もしくは病態の改善、治療のための医療技術および薬剤の開発等のためには、NAIP発現量を正確に検定することが不可欠である。

[0007]

この出願の発明は以上のとおりの事情に鑑みてなされたものであり、NAIP



[0008]

【課題を解決するための手段】

この出願の発明者等は、前記の課題を解決するために検討を重ねた結果、NAIPの抗原領域が、配列番号1のアミノ酸番号256-586の領域であることを見出した。

この出願は、この知見に基づき、配列番号1のアミノ酸配列を有するヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPを特異的に認識するモノクローナル抗体であって、配列番号1のアミノ酸番号256-586のアミノ酸配列またはその一部配列からなるポリペプチドを含む免疫原によって免疫した哺乳動物の抗体産生細胞とミエローマ細胞株との融合細胞であるハイブリドーマ細胞群がそれぞれ産生する抗NAIPモノクローナル抗体を提供する。

[0009]

またこの出願は、第1のNAIP検定方法として、マーカー標識した前記の抗 NAIPモノクローナル抗体とNAIPを含む試料とを接触させて標識抗体とN AIPを結合させ、この結合体におけるマーカーのシグナル強度を測定すること を特徴とする方法を提供する。

[0010]

この第1の検定方法においては、抗NAIPモノクローナル抗体が、前記のモノクローナル抗体 h n m c 3 6 5 または h n m c 3 8 1 であること、マーカーが酵素、放射性同位体または蛍光色素であることを好ましい態様としている。

さらにまたこの出願は、第2のNAIP検定方法として、抗NAIP一次抗体 とNAIPを含む試料とを接触させて一次抗体とNAIPを結合させ、この結合 体に抗NAIP二次抗体を結合させ、この二次抗体に結合したマーカーのシグナ ル強度を測定する方法であって、

- (1) 一次抗体と二次抗体を請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体とする、
- (2) 一次抗体を請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体とし、二次抗体を抗 NAIPポリクローナル抗体とする、または
- (3) 一次抗体を抗NAIPポリクローナル抗体とし、二次抗体を請求項1の抗 NAIPモノクローナル抗体とする、

ことを特徴とする方法を提供する。

[0011]

この第2の検定方法においては、抗NAIP一次抗体が固相化されていること、抗NAIPモノクローナル抗体が前記モノクローナル抗体 hnmc365および/またはhnmc381であること、およびマーカーが酵素、放射性同位体または蛍光色素であることを好ましい態様としている。

この出願はまた、第1のNAIP検定キットとして、少なくとも以下の要素、

- (a) 抗NAIP一次抗体が固相化されたプレート、および
- (b) マーカー標識された抗NAIP二次抗体、

からなるキットであって、

- (1) 一次抗体と二次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体である、
- (2) 一次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体であり、二次抗体が 抗NAIPポリクローナル抗体である、または
- (3) 一次抗体が抗NAIPポリクローナル抗体であり、二次抗体が請求項1の 抗NAIPモノクローナル抗体である、

ことを特徴とするNAIP検定キットを提供する。

[0012]

この第1の検定キットにおいては、マーカーが放射性同位体または蛍光色素、 もしくは酵素であることを好ましい態様としており、マーカーが酵素の場合には 、さらに次の要素、

(c) 酵素活性によって発色する基質 を有することを好ましい態様としている。

[0013]

この出願はまたさらに、第2のNAIP検定キットとして、少なくとも以下の要素、

- (a) 抗NAIP一次抗体が固相化されたプレート、
- (b) 抗NAIP二次抗体、および
- (c) 二次抗体に結合するマーカー、

からなるキットであって、

- (1) 一次抗体と二次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体である、
- (2) 一次抗体が請求項1の抗NAIPモノクローナル抗体であり、二次抗体が 抗NAIPポリクローナル抗体である、または
- (3) 一次抗体が抗NAIPポリクローナル抗体であり、二次抗体が請求項1の 抗NAIPモノクローナル抗体である、

ことを特徴とするNAIP検定キットを提供する。

[0014]

この第2の検定キットにおいては、マーカーが放射性同位体または蛍光色素、 もしくは酵素であることを好ましい態様としており、マーカーが酵素の場合には 、さらに次の要素、

(d) 酵素活性によって発色する基質 を有することを好ましい態様としている。

[0015]

なお、これらの検定キットにおいては、抗NAIPモノクローナル抗体が、前記モノクローナル抗体hnmc365および/またはhnmc381であることを好ましい態様としている。

以下、この発明の実施形態について詳しく説明する。

[0016]

【発明の実施の形態】

この発明の抗NAIPモノクローナル抗体は、公知のモノクローナル抗体作成法(「単クローン抗体」、長宗香明、寺田弘共著、廣川書店、1990年; "Monocl onal Antibody" James W. Goding, third edition, Academic Press, 1996) に従い、例えば以下の様な手順で作製することができる。

1:ハイブリドーマ細胞群の作製

配列番号1のアミノ酸番号256-586またはその一部配列からなるポリペプチドを含む免疫原を用いて哺乳動物を免疫し、必要に応じて適宜に追加免疫して動物を充分に感化する。次いでこの動物から抗体産生細胞(リンパ細胞または脾臓細胞)を摘出し、これとミエローマ(骨髄種)細胞株との融合細胞を得る。そして、これらの融合細胞株から、目的とするモノクローナル抗体をそれぞれに産生する複数の細胞を選択し、培養することによって、ハイブリドーマ細胞群を得ることができる。以下、各工程を詳しく説明する。

a) 免疫原の調製

配列番号1のアミノ酸番号256-586のアミノ酸配列を有するポリペプチドは、配列番号2のヌクレオチド配列を有するNAIPcDNAのヌクレオチド番号1056-2049を含むDNA断片を制限酵素切断等により切り出し、このDNA断片を適当な宿主-ベクター系で発現させることによって調製することができる。

[0017]

あるいは、配列番号1のアミノ酸番号256-586の領域の一部連続配列(10-20アミノ酸)からなるポリペプチドを調製してもよい。この場合、配列 の異なるポリペプチドを用いることによって、エピトープの異なるモノクローナ ル抗体をそれぞれに産生するハイブリドーマ細胞群が得られる。

これらのポリペプチドは、他の蛋白質(例えば、グルタチオン-S-トランスフェラーゼ:GST)との融合蛋白質の形で使用することもできる。このような融合蛋白質の使用は、宿主-ベクター系の発現産物からの目的蛋白質の単離、および後記するハイブリドーマ細胞のスクリーニング工程を容易かつ確実とする点において特に好ましい。

[0018]

なお、ポリペプチドは、配列番号1のアミノ酸番号256-586における1以上のアミノ酸残基が欠失、置換または付加されたアミノ酸配列を有するもの、 あるいはそのような欠失、置換または付加を有する一部連続配列からなるもので あってもよい。

b)動物の免疫

被免疫動物としては、公知のハイブリドーマ作製法に用いられる哺乳動物を使用することができる。具体的には、たとえばマウス、ラット、ヤギ、ヒツジ、ウシ、ウマ等である。ただし、摘出した抗体産生細胞と融合させるミエローマ細胞の入手容易生等の観点からは、マウスまたはラットを被免疫動物とするのが好ましい。また、実際に使用するマウスおよびラットの系統は特に制限はなく、マウスの場合には、たとえば各系統 A、AKR、BALB/c、BDP、BA、CE、C3H、57BL、C57BR、C57L、DBA、FL、HTH、HT1、LP、NZB、NZW、RF、RIII、SJL、SWR、WB、129等が、またラットの場合には、たとえば、Low、Lewis、Spraque、Daweley、ACI、BN、Fischer等を用いることができる。このうち、後述のミエローマ細胞との融合適合性を勘案すれば、マウスではBALB/c系統が、ラットではlow系統が被免疫動物として特に好ましい。なお、これらマウスまたはラットの免疫時の週齢は5~12週齢が好まい。

[0019]

動物の免疫は、免疫原であるポリペプチド溶液を動物の皮内または腹腔内に投与することによって行うことができる。抗原の投与スケジュールは被免疫動物の種類、個体差等により異なるが、一般には、抗原投与回数2~6回、投与間隔1~2週間が好ましい。また、抗原の投与量は動物の種類、個体差等により異なるが、一般には、10-100 μg/μl 程度とする。

c)細胞融合

上記の投与スケジュールの最終免疫日から1~5日後に被免疫動物から抗体産 生細胞を含む脾臓細胞またはリンパ細胞を無菌的に取り出す。これらの脾臓細胞 またはリンパ細胞からの抗体産生細胞の分離は、公知の方法に従って行うことが できる。

[0020]

次いで、抗体産生細胞とミエローマ細胞とを融合する。このミエローマ細胞には特段の制限はなく、公知の細胞株から適宜に選択して用いることができる。ただし、融合細胞からハイブリドーマを選択する際の利便性を考慮して、その選択手続が確立しているHGPRT(Hpoxanthine-guanine phosphoribosyl transfer

ase)欠損株を用いるのが好ましい。すなわち、マウス由来の X63-Ag8(X63), NS1-Ag4/1(NS-1), P3X63-Ag8.UI(P3UI), X63-Ag8.653(X63.653), SP2/0-Ag14(SP2/0), MPC11-45.6TG1.7(45.6TG), F0, S149/5XX0,BU.1等、ラット由来の 210.RSY3. Ag.1.2.3(Y3)等、ヒト由来の U266AR(SKO-007), GM1500・GTG-A12(GM1500), UC729-6, LICR-LOW-HMy2(HMy2), 8226AR/NIP4-1(NP41)等である。

[0021]

抗体産生細胞とミエローマ細胞との融合は、公知の方法に従い、細胞の生存率を極度に低下させない程度の条件下で適宜実施することができる。そのような方法は、例えば、ポリエチレングリコール等の高濃度ポリマー溶液中で抗体産生細胞とミエローマ細胞とを混合する化学的方法、電気的刺激を利用する物理的方法等を用いることができる。

[0022]

融合細胞と非融合細胞の選択は、例えば、公知のHAT(ヒポキサンチン・アミノプテリン・チミジン)選択法により行うのが好ましい。この方法は、アミノプテリン存在下で生存し得ないHGPRT欠損株のミエローマ細胞を用いて融合細胞を得る場合に有効である。すなわち、未融合細胞および融合細胞をHAT培地で培養することにより、アミノプテリンに対する耐性を持ち合わせた融合細胞のみを選択的に残存させ、かつ増殖させることができる。

d) ハイブリドーマのスクリーニング

目的とするモノクローナル抗体を産生するハイブリドーマ細胞のスクリーニングは、公知の酵素免疫検定法(EIA: Enzyme Immunoassay)、放射線免疫測定法(RIA: Radio Immunoassay)、蛍光抗体法等により行うことができる。また、融合蛋白質を免疫原とした場合には、融合パートナーである蛋白質について上記の各スクリーニング方法を併せて実施することによって、より確実にハイブリドーマ細胞をスクリーニングすることができる。

[0023]

このようなスクリーニングによって、エピトープ領域の異なるモノクローナル 抗体をそれぞれに産生するハイブリドーマ細胞群が得られる。従って、この発明 のモノクローナル抗体は、前記の方法によって作製されたハイブリドーマ細胞群 の各々が産生する複数のモノクローナル抗体を全て含むものである。

なお、スクリーニング後のハイブリドーマ細胞は、メチルセルロース法、軟ア ガロース法、限界希釈法等の公知の方法によりクローニングし、抗体産生に用い る。

[0024]

以上の通りの方法によって得たハイブリドーマ細胞は、液体窒素中または-80 ℃以下の冷凍庫中に凍結状態で保存することができる。

2:モノクローナル抗体の取得および精製

上記1で作成したハイブリドーマ細胞を公知の方法で培養することによって、NAIPを特異的に認識するモノクローナル抗体を得ることができる。

[0025]

培養は、例えば、前記のクローニング法で使用した同じ組成の培地中で培養してもよく、あるいはモノクローナル抗体を大量に産生するためには、マウス腹腔内にハイブリドーマ細胞を注射し、腹水からモノクローナル抗体を採取してもよい。

このようにして得たモノクローナル抗体は、例えば硫安塩析法、ゲル濾過法、 イオン交換クロマトグラフィー法、アフィニティークロマトグラフィー法等によ り精製することができる。

[0026]

次のこの発明のNAIP検定方法について説明する。

第1の検定方法は、マーカー標識した抗NAIPモノクローナル抗体(M-mAb)溶液とNAIPを含む試料とを接触させて標識モノクローナル抗体とNAIPを結合させ、この結合体(M-mAb:NAIP)を分離する。分離手段としては、クロマト法、塩析法、アルコール沈殿法、酵素法、固相法等の公知の方法を採用することができる。そして、マーカーとして酵素を用いる場合には、酵素作用によって分解して発色する基質を加え、基質の分解量を光学的に測定することによって酵素活性を求め、これを結合抗体量に換算し、標準値との比較からNAIP量が算出される。マーカーとして放射生同位体を用いる場合には、放射性同位体の発する放射線量をシンチレーションカウンター等により測定する。ま

た、マーカーとして蛍光色素を用いる場合には、蛍光顕微鏡を組み合わせた測定 装置によって蛍光量を測定すればよい。

[0027]

第2の検定方法は、NAIPに対するエピトープ領域の異なる2種類の抗体(一次抗体および二次抗体)を用いる。具体的には、先ず、一次抗体(AbI)とNAIPを含む試料とを接触させて両者を結合させ、この結合体(AbI:NAIP)にマーカー標識した二次抗体(MーAbII)を結合させ、この三者の結合体(AbI:NAIP:MーAbII)におけるマーカーのシグナル強度を測定する。あるいは、さらにシグナルを増強させるためには、非標識の二次抗体を先ず結合体(AbI:NAIP)に結合させ、この二次抗体にマーカーを結合させるようにしてもよい。このような二次抗体へのマーカー標識分子の結合は、例えば二次抗体をビオチン化し、マーカーをアビジン化しておくことによって行うことができる。あるいは、二次抗体の一部領域(例えば、Fc領域)を認識する抗体(三次抗体)をマーカー標識し、この三次抗体を二次抗体(II)に結合させるようにしてもよい。なお、一次抗体と二次抗体は、両方ともこの発明の抗NAIPモノクローナル抗体を用いることもでき、あるいは、一次抗体と二次抗体のいずれか一方を抗NAIPポリクローナル抗体(例えば、前記ポリペプチドで免疫した動物の抗血清)とすることもできる。

[0028]

この第2の方法は、液相系で行うこともでき、または固相系で行うこともできるが、極微量定量と操作の簡便化のためには、固相系で行うことが好ましい。すなわちこの固相系の方法は、一次抗体を樹脂プレート等に固相化し、この固相化抗体にNAIPを結合させ、非結合NAIPを洗浄した後、プレート上に残った結合NAIPに二次抗体を結合させ、この二次抗体のシグナル強度を測定する方法である。この方法は、いわゆる「サンドイッチ法」と呼ばれる方法であり、マーカーとして酵素を用いる場合には、「ELISA (enzyme linked immunospecific assay)」として広く用いられている方法である。

[0029]

これらの方法においてマーカーとして用いる酵素は、turn over numberが大で

あること、抗体と結合させても安定であること、基質を特異的に着色させる等の条件を満たすものであれば特段の制限はなく、通常のEIAに用いられる酵素、例えば、ペルオキシダーゼ、βーガラクトシダーゼ、アルカリフォスファターゼ、グルコースオキシダーゼ、アセチルコリンエステラーゼ、グルコースー6ーリン酸化脱水素酵素、リンゴ酸脱水素酵素等を用いることもできる。また、酵素阻害物質や補酵素等を用いることもできる。これら酵素とモノクローナル抗体との結合は、マレイミド化合物等の架橋剤を用いる公知の方法によって行うことができる。基質としては、使用する酵素の種類に応じて公知の物質を使用することができる。例えば酵素としてペルオキシダーゼを使用する場合には、3.3'5.5'ーテトラメチルベンジシンを、また酵素としてアルカリフォスファターゼを用いる場合には、パラニトロフェノール等を用いることができる。

[0030]

マーカーとして用いる放射性同位体としては、¹²⁵ I や ³ H 等の通常のR I A で用いられているものを使用することができる。蛍光色素としては、フルオレッセンスイソチオシアネート(F I T C)やテトラメチルローダミンイソチオシアネート(T R I T C)等の通常の蛍光抗体法に用いられるものを使用することができる。

[0031]

この発明の検定キットは、上記第2の検定方法を固相系で行うサンドイッチ法のためのキットである。このようなキットは、被検成分の種類に応じて各種のものが市販されており、この発明の検定キットも、抗体として前記抗NAIPモノクローナル抗体および/または抗NAIPポリクローナル抗体を用いることを除き、公知公用のキットに用いられている各要素によって構成することができる。また、前記構成要素からなるこの発明の検定キットには、非結合NAIPおよび/または非結合二次抗体を洗浄するための洗浄液を備えるようにしてもよい。

[0032]

【実施例】

以下、実施例を示してこの発明を詳細かつ具体的に説明するが、この発明はこれらの例に限定されるものではない。

実施例1:モノクローナル抗体の作成

(1) 免疫原の調製

配列番号1にヌクレオチド配列を示したNAIPcDNAの1056-2049番目領域 (NAIP256-586 領域)を増幅し、このDNA断片をpGEX-3X(Pharm acia社製)の制限酵素 E coRI部位に挿入した。塩基配列を確認した後、この組換えベクターpGEX-3X(NAIP. 256-586)で宿主大腸菌BL21(DE3)pLysSを形質転換し、LB培地中で30℃で5時間培養し、IPTGを加え、さらに20℃で3時間培養した。菌体を遠心により分離し、溶解溶液(PBS、Triton X-100)に溶かし、一度-80℃で凍結させ融解させた後、超音波破砕を行った。1000 x gで30分遠心し、上清をグルタチオンセファロース4Bカラムに通液し、GST-NAIP (256-586)融合蛋白質を得た。

(2) 動物の免疫

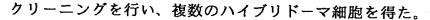
前記(1) で得た融合蛋白質50 μg/μl をBalb/cマウスの腹腔内に投与して初回 免疫とした。初回免疫から2週間後の2回目の免疫を行い、その後は1週間間隔 で6回まで免疫した。なお、融合蛋白質は、初回免疫では等量のFreund 完全ア ジュバンドと混合して投与し、2回目から5回目までFreund 不完全アジュバン ドと混合して投与した。最終免疫は融合蛋白質溶液のみを投与した。

(3) 細胞融合

最終免疫日の3日後に脾臓細胞を無菌的に摘出し、この脾臓細胞とマウスのミエローマ細胞株SP2/0-Ag14 とを混合し、ポリエチレングリコール#4000を用いて融合処理した。得られた細胞を96穴プレートにまき、HAT培地により融合細胞を選択した。

(4) スクリーニング

免疫原として使用したNAIPポリペプチドを固相化したELISAプレートと、GSTを固相化したELISAプレートを作製し、GSTプレートには反応せず、NAIPプレートにのみ反応するクローンを選択し、スクリーニングした。次いで、各ハイブリドーマの培養上清のうち、NAIPポリペプチドに反応するウェルを陽性として、陽性ウェルより限界希釈法を用いてハイブリドーマのクローニングを行い、単一クローンとなったハイブリドーマの培地に対して再度ス



(5) モノクローナル抗体の作成

得られた2種類のハイブリドーマ細胞をBalb/c系マウスの腹腔内にそれぞれ投与し、1週間後にモノクローナル抗体を含む腹水を採取した。この腹水から、プロテインGを用いたアファニティーカラムにより2種類のモノクローナル抗体 h n m c 3 6 5 および h n m c 3 8 1 を精製した。

[0033]

hnmc365はサブクラス IgG1で、そのエピトープ領域は配列番号1のアミノ酸番号354-368の領域であり、hnmc381はサブクラス IgG2 bで、エピトープ領域は配列番号1のアミノ酸番号373-387の領域であることを確認した。

実施例2:ポリクローナル抗体の作成

実施例1(1)と同様に調製したGST-NAIP (256-586)融合蛋白質を免疫原として、定法によりウサギ (Japanese White Rabit)を免疫し、抗血清を単離し、上記融合蛋白質を結合したセファロース4Bカラムによってポリクローナル抗体を精製した。

実施例3: ELISAキットの作成

(1) 一次抗体固相化プレート

150mmol/l の塩化ナトリウムおよび 1 g/L のアジ化ナトリウムを含む10mmol/l のリン酸カリウム緩衝液(pH7.5)に、実施例 1 で作成したの抗NAIPEJクローナル抗体hnmc365溶液($20\mu g/ml$)を溶解し、この溶液をELISAH96穴プレートの各穴に $50\mu l$ ずつ分注した。 4 $\mathbb C$ で16時間保存後、150mmol/l の塩化ナトリウムを含む10mmol/lのリン酸カリウム緩衝液(pH7.5)で洗浄し、抗NAIPEJクローナル抗体固相化プレートを作成した。

(2) ビオチン化二次抗体

実施例2で作成した抗NAIPポリクローナル抗体10mgに対し、N,N-ジメチルホルムアミドに溶解したビオチンアミドカプロン酸N-ヒドロキシスクシンイミドエステルを0.01mmol添加した。25℃で3時間保温後、50mmol/1のリン酸ナトリウム緩衝液(pH7.4)中で16時間透析を行い、ビオチン化抗NAIPポリクロ

ーナル抗体を作成した。

(3) 二次抗体結合マーカー

西洋ワサビ・ペルオキシダーゼ標識ストレプトアビジン溶液を、150 mmol/l の 塩化ナトリウムおよび 1 g/l のカゼインを含む10 nmol/l のリン酸カリウム緩衝液 (p H7.2) で $0.5 \mu \text{ g/ml}$ の濃度に希釈し、マーカー溶液とした。

実施例4:NAIP検定

(1) 操作方法

精製NAIPを様々な濃度で含有する試料溶液を、150mmol/l の塩化ナトリウムを含む10mmol/lリン酸カリウム緩衝液(pH7.2)で希釈し、実施例3(1)の一次抗体固相化プレートの各穴に50μl づつ分注した。37℃で1時間保温後、150mmol/塩化ナトリウムを含む10mmol/lリン酸カリウム緩衝液(pH7.2)で洗浄した。

[0034]

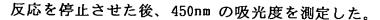
次に、実施例 3(2) のビオチン化抗NAIPポリクローナル抗体を、150 mmol/塩化ナトリウムおよび 1 g/l カゼインを含む10 mmol/lリン酸カリウム緩衝液(pH7.2)で $0.5 \mu \text{g/ml}$ 濃度に希釈し、前記プレートの各穴に $100 \mu \text{l}$ づつ分注した。37 C C C I 時間保温後、150 mmol/l 塩化ナトリウムを含む10 mmol/lリン酸カリウム緩衝液(pH7.2)で洗浄した。

[0035]

最後に、実施例 3 (3) の西洋ワサビ・ペルオキシダーゼ標識ストレプトアビジン溶液を前記プレートの各穴に100 μ l づつ分注し、37 $\mathbb C$ で1時間保温後、150 $\mathbb C$ mol/l 塩化ナトリウムを含む10 $\mathbb C$ mol/l リン酸カリウム緩衝液($\mathbb C$ H7.2)で洗浄した。

(2) 発色反応・吸光度測定

3,3',5,5'-テトラメチルベンジジンを50 nmol/l濃度となるようにN, N-ジメチルホルムアミドに溶解し、この溶液を100 nmol/l 酢酸ナトリウム緩衝液(p H5. 5) で 1 / 100 に希釈し、ろ紙でろ過した。この溶液10 ml に10 g/l の過酸化水素水を0.1 ml 添加し、発色液とした。この発色液を前記プレートの各穴に 50μ I づつ分注し、30 C で 30 C で 30 C 間保温した後、2 mol/l 硫酸を各穴に 50μ I づつ分注し、



(3) 結果

図1は、試料溶液中の精製NAIP濃度と前記方法により測定した吸光度との 関係を示したグラフ図である。試料中のNAIP濃度は測定限界4 ng/ml から20 ng/ml の範囲で検定可能であった。

[0036]

この結果から、例えば図1のような測定結果を標準線とすることによって、NAIP濃度未知の試料についても、その吸光度からNAIP濃度を正確に検定することが可能であることが確認された。

[0037]

【発明の効果】

以上詳しく説明したとおり、この出願によって、生体試料中のヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPを簡便かつ高精度で定量化することが可能となる。

【図面の簡単な説明】

【図1】

試料溶液中の精製NAIP濃度と前記方法により測定した吸光度との関係を示したグラフ図である。

【配列表】

Sequence Listing

<110> Applicant name: Japan Science and Technology Corporation,

and Hatumi SAKAI

<120> Title of Invention: ヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIP

に対するモノクローナル抗体と、

NAIP検定方法

<130> File reference: NP98449

<160> Nuber of SEQ ID Nos: 2

<210> SEQ ID NO (配列番号): 1

<211> Length: 1403

<212> Type: PRT

<213> Organism: homosapiens <400> Sequence Met Ala Thr Gln Gln Lys Ala Ser Asp Glu Arg Ile Ser Gln Phe Asp His Asn Leu Leu Pro Glu Leu Ser Ala Leu Leu Gly Leu Asp Ala Val Gln Leu Ala Lys Glu Leu Glu Glu Glu Glu Gln Lys Glu Arg Ala Lys Met Gln Lys Gly Tyr Asn Ser Gln Met Arg Ser Glu Ala Lys Arg Leu Lys Thr Phe Val Thr Tyr Glu Pro Tyr Ser Ser Trp Ile Pro Gln Glu Met Ala Ala Ala Gly Phe Tyr Phe Thr Gly Val Lys Ser Gly Ile Gln Cys Phe Cys Cys Ser Leu Ile Leu Phe Gly Ala Gly Leu Thr Arg Leu Pro Ile Glu Asp His Lys Arg Phe His Pro Asp Cys Gly Phe Leu Leu Asn Lys Asp Val Gly Asn Ile Ala Lys Tyr Asp Ile Arg Val Lys Asn Leu Lys Ser Arg Leu Arg Gly Gly Lys Met Arg Tyr Gln Glu Glu Glu Ala Arg Leu Ala Ser Phe Arg Asn Trp Pro Phe Tyr Val Gln Gly Ile

Ser Pro Cys Val Leu Ser Glu Ala Gly Phe Val Phe Thr Gly Lys Gln

Asp Thr Val Gln Cys Phe Ser Cys Gly Gly Cys Leu Gly Asn Trp Glu

Glu Gly Asp Asp Pro Trp Lys Glu His Ala Lys Trp Phe Pro Lys Cys

	210)				21	5				220)			
Glu	Phe	Le	u Ar	g Se	r Ly:	s Ly	s Se	r Se	r Gl	u Gli	ıJle	Thi	Gln	Туг	· [le
225					230)				235	5				240
Gln	Ser	Ty	r Lys	s Gl	y Phe	e Va	l As	p Il	e Thi	r Gly	/ Glu	His	Phe	Val	Asn
				24	5				250)				255	•
Ser	Trp	Va :	l Glr	n Ar	g Glu	ı Lei	ı Pro	o Me	t Ala	s Ser	Ala	Tyr	Cys	Asn	Asp
			260)				265	5				270		
Ser	Ile	Phe	e Ala	Туі	r Glu	Gli	ı Leı	ı Arg	g Leu	ı Asp	Ser	Phe	Lys	Asp	Trp
		275	5				280)				285			
Pro	Arg	Glu	Ser	Ala	Val	Gly	Val	Ala	Ala	Leu	Ala	Lys	Ala	Gly	Leu
	290					295	i				300				
Phe	Tyr	Thr	Gly	Ile	Lys	Asp	Ile	Val	Gln	Cys	Phe	Ser	Cys	Gly	Gly
305					310					315					320
Cys]	Leu	Glu	Lys	Trp	Gln	Glu	Gly	Asp	Asp	Pro	Leu	Asp	Asp	His	Thr
				325					330					335	
Arg (Cys	Phe	Pro	Asn	Cys	Pro	Phe	Leu	Gln	Asn	Met	Lys	Ser	Ser	Ala
			340					345					350		
GIu V	/al	Thr	Pro	Asp	Leu	Gln	Ser	Arg	Gly	Glu	Leu	Cys	Glu	Leu	Leu
		355					360					365			
Glu T	hr	Thr	Ser	Glu	Ser	Asn	Leu	Glu	Asp	Ser	Ile	Ala	Val	Gly	Pro
3	370					375					380				
Ile V	al]	Pro	Glu	Met	Ala	Gln	Gly	Glu	Ala	Gln	Trp	Phe	Gln	Glu	Ala
385					390					395					400
Lys A	sn]	Leu	Asn	Glu	Gln	Leu	Arg	Ala	Ala	Tyr	Thr	Ser	Ala :	Ser	Phe
				405					410				4	415	
Arg H	is)	let	Ser	Leu	Leu	Asp	Ile	Ser	Ser	Asp]	Leu .	Ala	Thr A	Asp]	His
			420					425					430		
Leu L	eu (lу	Cys	Asp	Leu	Ser	lle	Ala	Ser	Lys]	His]le :	Ser [.ys]	Pro
	4	35					440				4	445			

Val	Gln	Glu	Pro	Leu	Va l	Leu	Pro	Glu	Val	Phe	Gly	Asn	Leu	Asn	Ser
	450					4 55					460				
Val	Met	Cys	Val	Glu	Gly	Glu	Ala	Gly	Ser	Gly	Lys	Thr	Val	Leu	Leu
465					470					475					480
Lys	Lys	Ile	Ala	Phe	Leu	Trp	Ala	Ser	Gly	Cys	Cys	Pro	Leu	Leu	Asn
				485					490					495	
Arg	Phe	Gln	Leu	Val	Phe	Tyr	Leu	Ser	Leu	Ser	Ser	Thr	Arg	Pro	Asp
			500					505					510		
Glu	Gly	Leu	Ala	Ser	He	Ile	Cys	Asp	Gln	Leu	Leu	Glu	Lys	Glu	Gly
		515					520					525			
Ser	Val	Thr	Glu	Met	Cys	Met	Arg	Asn	lle	Ile	Gln	Gln	Leu	Lys	Asn
	530					535					540				
Gln	Val	Leu	Phe	Leu	Leu	Asp	Asp	Tyr	Lys	Glu	Ile	Cys	Ser	Ile	Pro
545					550					555					560
Gln	Val	Ile	Gly	Lys	Leu	Ile	Gln	Lys	Asn	His	Leu	Ser	Arg	Thr	Cys
				565					570					575	
Leu	Leu	Ile	Ala	Val	Arg	Thr	Asn	Arg	Ala	Arg	Asp	Ile	Arg	Arg	Tyr
			580					585					590		
Leu	Glu	Thr	Ile	Leu	Glu	Ile	Lys	Ala	Phe	Pro	Phe	Tyr	Asn	Thr	Val
		595					600					605			
Cys	Ile	Leu	Arg	Lys	Leu	Phe	Ser	His	Asn	Met	Thr	Arg	Leu	Arg	Lys
	610					615					620				
Phe	Met	Val	Tyr	Phe	Gly	Lys	Asn	Gln	Ser	Leu	Gln	Lys	lle	Gln	Lys
625					630					635					640
Thr	Pro	Leu	Phe	Val	Ala	Ala	Ile	Cys	Ala	His	Trp	Phe	Gln	Tyr	Pro
				645					650					655	
Phe	Asp	Pro	Ser	Phe	Asp	Asp	Val	Ala	Val	Phe	Lys	Ser	Tyr	Met	Glu
			660					665					670		
Arg	Leu	Ser	Leu	Arg	Asn	Lys	Ala	Thr	Ala	Glu	Ile	Leu	Lys	Ala	Thr

		675	5				680					685	ı		
Va l	Ser	Ser	Cys	Gly	Glu	Leu	Ala	Leu	Lys	Gly	Phe	Phe	Ser	Cys	Cys
	690	,				695					700				
Phe	Glu	Phe	e Asn	Asp	Asp	Asp	Leu	Ala	Glu	Ala	Gly	Val	Asp	Glu	Asp
705	I				710					715					720
Glu	Asp	Leu	Thr	Met	Cys	Leu	Met	Ser	Lys	Phe	Thr	Ala	Gln	Arg	Leu
				725					730					735	
Arg	Pro	Phe	Tyr	Arg	Phe	Leu	Ser	Pro	Ala	Phe	Gln	Glu	Phe	Leu	Ala
			740					745			·		750		
Gly	Met	Arg	Leu	Ile	Glu	Leu	Leu	Asp	Ser	Asp	Arg	Gln	Glu	His	Gln
		7 55					760					765			
Asp	Leu	Gly	Leu	Tyr	His	Leu	Lys	Gln	Ile	Asn	Ser	Pro	Met	Met	Thr
	770					775					780				
Va l	Ser	Ala	Tyr	Asn	Asn	Phe	Leu	Asn	Tyr	Val	Ser	Ser	Leu	Pro	Ser
785					790					795					800
Thr	Lys	Ala	Gly	Pro	Lys	Ile	Val	Ser	His	Leu	Leu	His	Leu	Val	Asp
				805					810					815	
Asn	Lys	Glu	Ser	Leu	Glu	Asn	lle	Ser	Glu	Asn	Asp	Asp	Tyr	Leu	Lys
			820					825					830		
His	Gln	Pro	Glu	Ile	Ser	Leu	Gln	Met	Gln	Leu	Leu	Arg	Gly	Leu	Trp
		835					840					845			
Gln	Ile	Cys	Pro	Gln	Ala	Tyr	Phe	Ser	Met	Val	Ser	Glu	His	Leu	Leu
	850					855					860				
Val	Leu	Ala	Leu	Lys	Thr	Ala	Tyr	Gln	Ser	Asn	Thr	Val	Ala	Ala	Cys
865					870					875					880
Ser	Pro	Phe	Val	Leu	Gln	Phe	Leu	Gln	Gly	Arg	Thr	Leu	Thr	Leu	Gly
				885					890					895	
Ala	Leu	Asn	Leu	Gln	Tyr	Phe	Phe	Asp	His	Pro	Glu	Ser	Leu	Ser	Leu
			900					905					910		

Leu Arg Ser Ile His Phe Pro Ile Arg Gly Asn Lys Thr Ser Pro Arg Ala His Phe Ser Val Leu Glu Thr Cys Phe Asp Lys Ser Gln Val Pro Thr lle Asp Gln Asp Tyr Ala Ser Ala Phe Glu Pro Met Asn Glu Trp Glu Arg Asn Leu Ala Glu Lys Glu Asp Asn Val Lys Ser Tyr Met Asp Met Gln Arg Arg Ala Ser Pro Asp Leu Ser Thr Gly Tyr Trp Lys Leu Ser Pro Lys Gin Tyr Lys Ile Pro Cys Leu Glu Val Asp Val Asn Asp Ile Asp Val Val Gly Gln Asp Met Leu Glu Ile Leu Met Thr Val Phe Ser Ala Ser Gln Arg Ile Glu Leu His Leu Asn His Ser Arg Gly Phe Ile Glu Ser Ile Arg Pro Ala Leu Glu Leu Ser Lys Ala Ser Val Thr Lys Cys Ser Ile Ser Lys Leu Glu Leu Ser Ala Ala Glu Gln Glu Leu Leu Leu Thr Leu Pro Ser Leu Glu Ser Leu Glu Val Ser Gly Thr Ile Gln Ser Gln Asp Gln Ile Phe Pro Asn Leu Asp Lys Phe Leu Cys Leu Lys Glu Leu Ser Val Asp Leu Glu Gly Asn Ile Asn Val Phe Ser Val lle Pro Glu Glu Phe Pro Asn Phe His His Met Glu Lys Leu Leu Ile Gln Ile Ser Ala Glu Tyr Asp Pro Ser Lys Leu Val Lys Leu Ile Gln

1140)	1145		1150
Asn Ser Pro Ası	n Leu His Va	l Phe His	Leu Lys Cys	s Asn Phe Phe Ser
1155		1160		1165
Asp Phe Gly Ser	Leu Met Thi	r Met Leu	Val Ser Cys	s Lys Lys Leu Thr
1170	1175	5	1180)
Glu Ile Lys Phe	Ser Asp Ser	Phe Phe	Gln Ala Val	Pro Phe Val Ala
1185	1190		1195	1200
Ser Leu Pro Asn	Phe Ile Ser	Leu Lys	Ile Leu Asn	Leu Glu Gly Gln
	1205	1	1210	1215
Gln Phe Pro Asp	Glu Glu Thr	Ser Glu	Lys Phe Ala	Tyr Ile Leu Gly
1220		1225		1230
Ser Leu Ser Asn	Leu Glu Glu	Leu Ile	Leu Pro Thr	Gly Asp Gly Ile
1235		1240		1245
Tyr Arg Val Ala	Lys Leu Ile	lle Gln	Gln Cys Gln	Gln Leu His Cys
1250	1255		1260	
Leu Arg Val Leu	Ser Phe Phe	Lys Thr	Leu Asn Asp	Asp Ser Val Val
1265	1270		1275	1280
Glu Ile Ala Lys	Val Ala Ile	Ser Gly	Gly Phe Gln	Lys Leu Glu Asn
1	285	1:	290	1295
Leu Lys Leu Ser	Ile Asn His	Lys Ile	Thr Glu Glu	Gly Tyr Arg Asn
1300		1305		1310
Phe Phe Gln Ala	Leu Asp Asn	Met Pro	Asn Leu Gln	Glu Leu Asp Ile
1315	1	320	1	325
Ser Arg His Phe	Thr Glu Cys	Ile Lys /	la Gln Ala	Thr Thr Val Lys
1330	1335		1340	
Ser Leu Ser Gln	Cys Val Leu	Arg Leu F	Pro Arg Leu	Ile Arg Leu Asn
1345	1350		1355	1360
Met Leu Ser Trp	Leu Leu Asp	Ala Asp A	sp lle Ala	Leu Leu Asn Val
1:	365	13	70	1375

Met Lys Glu Arg His Pro Gln Ser Lys Tyr Leu Thr Ile Leu Gln Lys 1385 1390 1380

Trp Ile Leu Pro Phe Ser Pro Ile Ile Gln Lys

1400 1403 1395

<210> SEQ ID NO (配列番号): 2

<211> Length: 5984

<212> Type: DNA

<213> Organism: homosapiens

<220> Feature

<221> Name/key: CDC

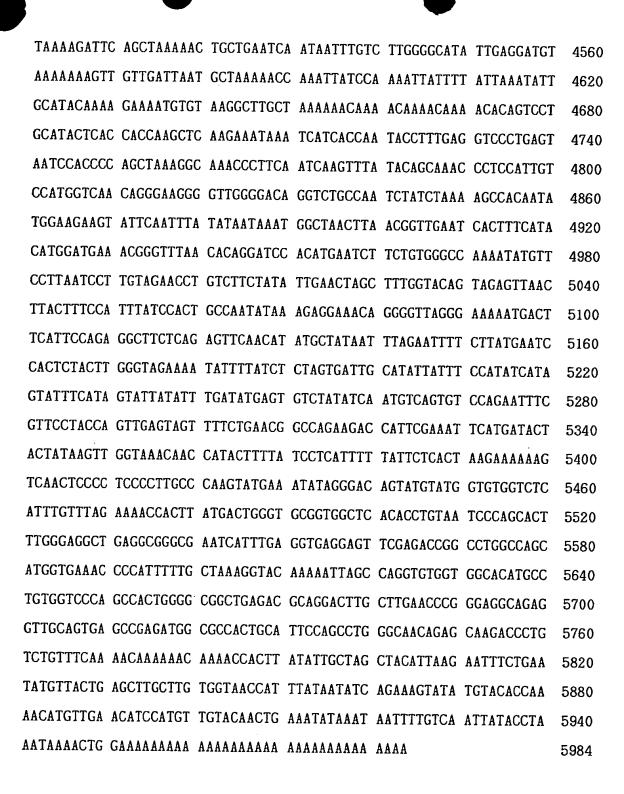
<222> Location: 292..4500

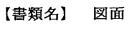
<400> Sequence

60	CCTCTTCGCC	GCCCTGTGTT	TCTGGACGTT	CTGGGACCCT	CTGTGCTCAC	ACAAAAGGTC
120	CACTTCATAT	ACAACAATGC	TTGACCCCAG	ACCCCGGGTA	TCTACGACGA	TGCCTGTTCA
180	ATATTTTCTC	AGTTCCTTAA	TTCATTGCAA	CCAAGGTGCA	GTCTGGGATT	TGGGGACTTC
240	TTTCCTTCCA	AGCCACATAC	TTTGTTCTTC	GGACAGAGCA	ACTAAAGGAC	ACTGCTTCCT
300	AATGGCCACC	AACCTCAGAA	ACTGTGGATA	TTAGACTAGA	TTCTCCTCTA	CTGGCCAGCA
360	GCCAGAGCTG	ACAATTTGCT	CAGTTTGATC	GAGGATCTCC	CCTCTGACGA	CAGCAGAAAG
420	AGAGGAGCAG	AACTAGAAGA	TTGGCAAAGG	TGCAGTTCAG	TGGGCCTAGA	TCTGCTCTTC
480	AGCAAAAAGG	TGCGCAGTGA	AACTCTCAAA	GAAAGGCTAC	CAAAAATGCA	AAGGAGCGAG
540	GATGGCGGCC	TACCACAGGA	AGCTCATGGA	TGAGCCGTAC	TTGTGACTTA	TTAAAGACTT
600	TAGCCTAATC	GCTTCTGCTG	GGGATTCAGT	GGTAAAATCT	ACTTCACTGG	GCTGGGTTTT
660	TCATCCAGAT	ACAAGAGGTT	ATAGAAGACC	GAGACTCCCC	CCGCCTCAC	CTCTTTGGTG
720	AAGGGTGAAG	AGTACGACAT	AACATTGCCA	GGATGTTGGT	TTTTGAACAA	TGTGGGTTCC
780	GGCTAGACTT	AAGAAGAGGA	ATGAGGTACC	AGGAGGTAAA	GCAGGCTGAG	AATCTGAAGA
840	GCTCTCAGAG	CCCCTTGTGT	CAAGGGATAT	ATTTTATGTC	GGAACTGGCC	GCATCCTTCA
900	TGGTGGATGT	GTTTTTCCTG	ACGGTACAGT	TAAACAGGAC	TCTTTACAGG	GCTGGCTTTG
960	GTTCCCCAAA	ATGCCAAATG	TGGAAGGAAC	AGATGATCCT	GGGAAGAAGG	TTAGGAAATT
1020	TCAAAGCTAC	CCCAGTATAT	GAGGAAATTA	GAAATCCTCA	TTCGGAGTAA	TGTGAATTTC

AAGGGATTTG TTGACATAAC GGGAGAACAT TTTGTGAATT CCTGGGTCCA GAGAGAATTA	1080
CCTATGGCAT CAGCTTATTG CAATGACAGC ATCTTTGCTT ACGAAGAACT ACGGCTGGAC	1140
TCTTTTAAGG ACTGGCCCCG GGAATCAGCT GTGGGAGTTG CAGCACTGGC CAAAGCAGGT	1200
CTTTTCTACA CAGGTATAAA GGACATCGTC CAGTGCTTTT CCTGTGGAGG GTGTTTAGAG	1260
AAATGGCAGG AAGGTGATGA CCCATTAGAC GATCACACCA GATGTTTTCC CAATTGTCCA	1320
TTTCTCCAAA ATATGAAGTC CTCTGCGGAA GTGACTCCAG ACCTTCAGAG CCGTGGTGAA	1380
CTTTGTGAAT TACTGGAAAC CACAAGTGAA AGCAATCTTG AAGATTCAAT AGCAGTTGGT	1440
CCTATAGTGC CAGAAATGGC ACAGGGTGAA GCCCAGTGGT TTCAAGAGGC AAAGAATCTG	1500
AATGAGCAGC TGAGAGCAGC TTATACCAGC GCCAGTTTCC GCCACATGTC TTTGCTTGAT	1560
ATCTCTTCCG ATCTGGCCAC GGACCACTTG CTGGGCTGTG ATCTGTCTAT TGCTTCAAAA	1620
CACATCAGCA AACCTGTGCA AGAACCTCTG GTGCTGCCTG AGGTCTTTGG CAACTTGAAC	1680
TCTGTCATGT GTGTGGAGGG TGAAGCTGGA AGTGGAAAGA CGGTCCTCCT GAAGAAAATA	1740
GCTTTTCTGT GGGCATCTGG ATGCTGTCCC CTGTTAAACA GGTTCCAGCT GGTTTTCTAC	1800
CTCTCCCTTA GTTCCACCAG ACCAGACGAG GGGCTGGCCA GTATCATCTG TGACCAGCTC	1860
CTAGAGAAAG AAGGATCTGT TACTGAAATG TGCATGAGGA ACATTATCCA GCAGTTAAAG	1920
AATCAGGTCT TATTCCTTTT AGATGACTAC AAAGAAATAT GTTCAATCCC TCAAGTCATA	1980
GGAAAACTGA TTCAAAAAAA CCACTTATCC CGGACCTGCC TATTGATTGC TGTCCGTACA	2040
AACAGGGCCA GGGACATCCG CCGATACCTA GAGACCATTC TAGAGATCAA AGCATTTCCC	2100
TTTTATAATA CTGTCTGTAT ATTACGGAAG CTCTTTTCAC ATAATATGAC TCGTCTGCGA	2160
AAGTTTATGG TTTACTTTGG AAAGAACCAA AGTTTGCAGA AGATACAGAA AACTCCTCTC	2220
TTTGTGGCGG CGATCTGTGC TCATTGGTTT CAGTATCCTT TTGACCCATC CTTTGATGAT	2280
GTGGCTGTTT TCAAGTCCTA TATGGAACGC CTTTCCTTAA GGAACAAAGC GACAGCTGAA	2340
ATTCTCAAAG CAACTGTGTC CTCCTGTGGT GAGCTGGCCT TGAAAGGGTT TTTTTCATGT	2400
TGCTTTGAGT TTAATGATGA TGATCTCGCA GAAGCAGGGG TTGATGAAGA TGAAGATCTA	2460
ACCATGTGCT TGATGAGCAA ATTTACAGCC CAGAGACTAA GACCATTCTA CCGGTTTTTA 2	2520
AGTCCTGCCT TCCAAGAATT TCTTGCGGGG ATGAGGCTGA TTGAACTCCT GGATTCAGAT 2	2580
AGGCAGGAAC ATCAAGATTT GGGACTGTAT CATTTGAAAC AAATCAACTC ACCCATGATG 2	2640
ACTGTAAGCG CCTACAACAA TTTTTTGAAC TATGTCTCCA GCCTCCCTTC AACAAAGCA 2	2700
GGGCCCAAAA TTGTGTCTCA TTTGCTCCAT TTAGTGGATA ACAAAGAGTC ATTGGAGAAT 2	2760

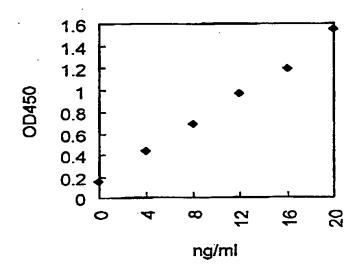
ATATCTGAAA	ATGATGACTA	CTTAAAGCAC	CAGCCAGAAA	TTTCACTGCA	GATGCAGTTA	2820
CTTAGGGGAT	TGTGGCAAAT	TTGTCCACAA	GCTTACTTTT	CAATGGTTTC	AGAACATTTA	2880
CTGGTTCTTG	CCCTGAAAAC	TGCTTATCAA	AGCAACACTG	TTGCTGCGTG	TTCTCCATTT	2940
GTTTTGCAAT	TCCTTCAAGG	GAGAACACTG	ACTTTGGGTG	CGCTTAACTT	ACAGTACTTT	3000
TTCGACCACC	CAGAAAGCTT	GTCATTGTTG	AGGAGCATCC	ACTTCCCAAT	ACGAGGAAAT	3060
AAGACATCAC	CCAGAGCACA	TTTTTCAGTT	CTGGAAACAT	GTTTTGACAA	ATCACAGGTG	3120
CCAACTATAG	ATCAGGACTA	TGCTTCTGCC	TTTGAACCTA	TGAATGAATG	GGAGCGAAAT	3180
TTAGCTGAAA	AAGAGGATAA	TGTAAAGAGC	TATATGGATA	TGCAGCGCAG	GGCATCACCA	3240
GACCTTAGTA	CTGGCTATTG	GAAACTTTCT	CCAAAGCAGT	ACAAGATTCC	CTGTCTAGAA	3300
GTCGATGTGA	ATGATATTGA	TGTTGTAGGC	CAGGATATGC	TTGAGATTCT	AATGACAGTT	3360
TTCTCAGCTT	CACAGCGCAT	CGAACTCCAT	TTAAACCACA	GCAGAGGCTT	TATAGAAAGC	3420
ATCCGCCCAG	CTCTTGAGCT	GTCTAAGGCC	TCTGTCACCA	AGTGCTCCAT	AAGCAAGTTG	3480
GAACTCAGCG	CAGCCGAACA	GGAACTGCTT	CTCACCCTGC	CTTCCCTGGA	ATCTCTTGAA	3540
GTCTCAGGGA	CAATCCAGTC	ACAAGACCAA	ATCTTTCCTA	ATCTGGATAA	GTTCCTGTGC	3600
CTGAAAGAAC	TGTCTGTGGA	TCTGGAGGGC	AATATAAATG	TTTTTTCAGT	CATTCCTGAA	3660
GAATTTCCAA	ACTTCCACCA	TATGGAGAAA	TTATTGATCC	AAATTTCAGC	TGAGTATGAT	3720
CCTTCCAAAC	TAGTAAAATT	AATTCAAAAT	TCTCCAAACC	TTCATGTTTT	CCATCTGAAG	3780
TGTAACTTCT	TTTCGGATTT	TGGGTCTCTC	ATGACTATGC	TTGTTTCCTG	TAAGAAACTC	3840
ACAGAAATTA	AGTTTTCGGA	TTCATTTTTT	CAAGCCGTCC	CATTTGTTGC	CAGTTTGCCA	3900
AATTTTATTT	CTCTGAAGAT	ATTAAATCTT	GAAGGCCAGC	AATTTCCTGA	TGAGGAAACA	3960
TCAGAAAAAT	TTGCCTACAT	TTTAGGTTCT	CTTAGTAACC	TGGAAGAATT	GATCCTTCCT	4020
ACTGGGGATG	GAATTTATCG	AGTGGCCAAA	CTGATCATCC	AGCAGTGTCA	GCAGCTTCAT	4080
TGTCTCCGAG	TCCTCTCATT	TTTCAAGACT	TTGAATGATG	ACAGCGTGGT	GGAAATTGCC	4140
AAAGTAGCAA	TCAGTGGAGG	TTTCCAGAAA	CTTGAGAACC	TAAAGCTTTC	AATCAATCAC	4200
AAGATTACAG	AGGAAGGATA	CAGAAATTTC	TTTCAAGCAC	TGGACAACAT	GCCAAACTTG	4260
CAGGAGTTGG	ACATCTCCAG	GCATTTCACA	GAGTGTATCA	AAGCTCAGGC	CACAACAGTC	4320
AAGTCTTTGA	GTCAATGTGT	GTTACGACTA	CCAAGGCTCA	TTAGACTGAA	CATGTTAAGT	4380
TGGCTCTTGG	ATGCAGATGA	TATTGCATTG	CTTAATGTCA	TGAAAGAAAG	ACATCCTCAA	4440
TCTAAGTACT	TAACTATTCT	CCAGAAATGG	ATACTGCCGT	TCTCTCCAAT	CATTCAGAAA	4500





【図1】

精製NAIP標準試料検定結果





【要約】

【課題】 ヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPの簡便かつ高精度の検定方法と、そのための材料を提供する。

【解決手段】 配列番号1のアミノ酸配列を有するヒト・アポトーシス抑制蛋白質NAIPを特異的に認識するモノクローナル抗体であって、配列番号1のアミノ酸番号256-586のアミノ酸配列またはその一部配列からなるポリペプチドを含む免疫原によって免疫した哺乳動物の抗体産生細胞とミエローマ細胞株との融合細胞であるハイブリドーマ細胞群がそれぞれ産生する抗NAIPモノクローナル抗体と、これらの抗体を用いたNAIP検定方法、並びに検定キット。

【選択図】 なし

【書類名】

職権訂正データ

【訂正書類】

特許願

<認定情報・付加情報>

【特許出願人】

【識別番号】

396020800

【住所又は居所】

埼玉県川口市本町4丁目1番8号

【氏名又は名称】

科学技術振興事業団

【特許出願人】

【識別番号】

597144912

【住所又は居所】

神奈川県厚木市元町1-20シャトレ・ストンリバ

-11207

【氏名又は名称】

酒井 治美

【代理人】

申請人

【識別番号】

100093230

【住所又は居所】

東京都渋谷区宇田川町37-10 麻仁ビル6階

西澤国際特許事務所

【氏名又は名称】

西澤 利夫



出願人履歷情報

識別番号

[396020800]

1. 変更年月日 1998年 2月24日

[変更理由] 名称変更

住 所 埼玉県川口市本町4丁目1番8号

氏 名 科学技術振興事業団

出願人履歴情報

識別番号

[597144912]

1. 変更年月日

1997年10月14日

[変更理由]

新規登録

住 所

神奈川県厚木市元町1-20シャトレ・ストンリバー I I 20

7

氏 名 酒井 治美

This Page Blank (uspto)